



参加費  
無料

日本 BD・バイオストリーム共催ウェビナー

# BD Rhapsody™ システムと Curio Trekker を用いた空間遺伝子解析

～ Slide-tags 技術による真の空間シングルセルトランスクリプトーム解析 ～

近年シングルセル遺伝子発現解析は技術の発展を遂げ、切片の位置情報を含めた空間トランスクリプトーム解析が注目されています。しかし、現状の方法では細胞あたりの平均検出遺伝子数が数百程度と少ないことや、セルセグメンテーションの精度の低さが課題となっています。そのような課題を克服できる技術として、2023年12月にNature誌にてSlide-tags技術(Curio Trekker)が発表されました。この技術は切片の位置情報を含むDNAオリゴを切片中の核内にすでに浸透させ、その後完全な核を回収して、BD Rhapsody™ システムなどのシングルセル解析装置でsnRNA-seqが行えます。核を解析することでセルセグメンテーションが不要になり、核当たりの平均検出遺伝子数も従来のsnRNA-seqと同様に数千遺伝子が検出できるため、現在の空間トランスクリプトームの解析精度を向上できるとも期待されており、また、本技術はsnATAC-seqへの対応も予定されており、空間シングルセルマルチオミクス解析への扉を開く技術としても注目されています。本セミナーでは、BD Rhapsody™ シングルセル解析システムおよびSlide-Tags技術の原理とワークフロー、実施例についてご紹介いたします。

日 時

2024年12月19日(木) 16:00～17:00

プログラム

## BD Rhapsody™ シングルセル解析システムの紹介

演者：安田 剛 日本ベクトン・ディッキンソン株式会社 アプリケーションサポートグループ

## Curio Trekker の紹介

演者：細野 直哉 バイオストリーム株式会社 アプリケーションサイエンティスト シニアディレクター

本ウェビナーは事前登録制です。以下のサイトよりご登録をお願い致します。  
お申込み後に視聴サイト URL をメールでご案内させていただきます。

お申込みはこちら：[www.bdj.co.jp/s/20241219/](http://www.bdj.co.jp/s/20241219/)



共 催：バイオストリーム株式会社

日本ベクトン・ディッキンソン株式会社

研究用です。本製品は、疾病の診断・治療または予防に使用することはできません。

日本ベクトン・ディッキンソン株式会社  
カスタマーサービス [www.bdj.co.jp/s/cs/](http://www.bdj.co.jp/s/cs/)

[bdbiosciences.com/ja-jp/](http://bdbiosciences.com/ja-jp/)

