

「空間的遺伝子発現解析」

日時：2026年7月16日（木）16:00～16:30

会場：オンライン（Zoomウェビナー）

参加費：無料

ご参加には事前登録が必要です。（登録締切：2026年7月16日正午）
ご登録は下記のURLまたは右記Rコードよりお願いいたします。

https://amelieff.jp/news/260716_bi112/



お申し込みはこちら

講演内容

アメリエフは創業当時より「バイオインフォマティクスの活用を促進し研究を加速させる」ミッションを掲げ、定期的に勉強会を開催しています。

専門用語や解析手法の概要に加え、理解に迷いがしやすい箇所を中心に、研究で空間的遺伝子発現解析を利用される方に向けた内容となっておりますので、今後の研究にぜひお役立ていただければと思っております。

Xeniumを用いた空間的遺伝子発現解析を研究に取り入れたい研究者を対象に、バイオインフォマティクスの流れをご紹介します。具体的には、クオリティコントロール、正規化とクラスタリング、遺伝子発現の可視化、マーカー遺伝子の探索、そしてパスウェイ解析やGO解析といった高次解析の結果と解釈の方法を解説いたします。勉強会では、空間的遺伝子発現解析結果を受領後にデータ解析をすすめるためのポイントと、その難易度をつかんでいただけるよう専門用語から丁寧に解説いたします。

※今回は2025年1月30日に実施した勉強会の録画配信となります。

こんな方におすすめ

- ・空間的遺伝子発現解析の外注を予定されている方
- ・空間的遺伝子発現解析を研究で利用したい方
- ・オミクス解析に興味のあるアカデミアや企業の研究者

講師紹介

山口 昌雄 アメリエフ株式会社 代表取締役社長

略歴	2000	理化学研究所 遺伝子多型研究センター
	2004	京都大学 博士後期課程入学
	2004-6	パリ第6大学 留学
	2007	京都大学 博士後期課程修了
	2009	アメリエフ株式会社設立
		東京科学大学 客員教授



受託解析キャンペーン

キャンペーン期間：5月18日（月）～8月4日（火）

空間的
遺伝子発現解析

280 万円 / 2サンプル～

ライブラリ調整～シーケンス
+ GO・パスウェイ解析、着目領域の詳細解析まで