

「バイオ研究者ためのNGSデータ解析スタートガイド | RNA-seq解析」

日時：2026年**7月30日**（木）16:00～17:00

会場：オンライン（Zoomウェビナー）

参加費：無料

ご参加には事前登録が必要です。（登録締切：2026年7月30日正午）

ご登録は下記のURLまたは右記Rコードよりお願いいたします。

https://amelieff.jp/news/260730_biws114/



お申し込みはこちら

講演内容

アメリエフは創業当時より「バイオインフォマティクスの活用を促進し研究を加速させる」ミッションを掲げ、定期的にバイオインフォマティクス勉強会を開催しています。バイオインフォマティクス勉強会では、初学者がつまづきやすい、PCや解析環境の選択、RやPythonなどのプログラミング、データの取得方法など、「失敗しないNGSの始め方」を解説します。

生命科学研究においてNGS解析はスタンダードな技術となりました。それに伴い、受託会社やソフトウェアによる定型的な解析の枠を超え、研究者自身の視点からデータを深く再考する「二次・高次解析」の重要性が高まっています。標準的な解析結果の先にある、研究者独自のインサイト（洞察）を導き出すためには、自らの手でデータを自由自在に探索できるスキルが不可欠です。

本勉強会では、研究に役立つ実践的なデータ分析へのアプローチとしてRNA-seq解析に焦点を当て、解析環境の選定からRを用いた二次解析・高次解析のポイントまでを凝縮して解説します。

特に、失敗しないためのデータ品質管理、定型解析の解説に加え、論文化に直結する知見を抽出するためのコツを実例を交えてお伝えします。

※今回は2026年2月18日に実施した勉強会の録画配信となります。

こんな方におすすめ

- ・ 外部に依頼したNGS解析の結果を掘り下げたい方
- ・ これからNGS解析を始めたい方
- ・ データ解析を内製化したい方
- ・ 公開データを活用した予備実験や仮説検証を行いたい方

講師紹介

山口 昌雄

アメリエフ株式会社 代表取締役社長

略歴

2000	理化学研究所 遺伝子多型研究センター
2004	京都大学 博士後期課程入学
2004-6	パリ第6大学 留学
2007	京都大学 博士後期課程修了
2009	アメリエフ株式会社設立
	東京科学大学 客員教授

