第116回 バイオインフォマティクス勉強会

研究者のためのデータ解析環境の作り方
～チームで再現性を高めるDocker活用法～

日時：2026年11月17日（火）16:00～16:30

会場：オンライン（Zoomウェビナー）

参加費：無料

ご参加には事前登録が必要です。（登録締切：2026年11月17日正午）
ご登録は下記のURLまたは右記Rコードよりお願いいたします。
https://amelieff.jp/news/261117_bisg116/

お申し込みはこちら

講演内容

　これまで個人で行っていた解析作業を、チーム全体が解析できるように、ワークステーションを導入したいとお考えの方に向けた勉強会です。
　ワークステーション導入の検討にあたり、次のような「環境構築の壁」に悩んでいませんか。

・ワークステーションのスペックをどのように選定してよいかわからない
・どのユーザーでもラボ共通の解析手順（コマンド、シェル）を使えるようにしたい
・解析ツールを追加したら、バージョンが合わずにエラーが出て動かなくなった
・同じ解析手順なのに、ユーザーによって結果が変わってしまう

　本勉強会では仮想化ツール「Docker」を使って、解析に必要なツールがそろった環境を用意し、メンバー全員で共有する方法をご紹介します。
　また、解析の内容や規模、利用する人数に合わせたワークステーションのスペックの選び方に加え、複数人で共有する際に押さえておきたいセキュリティの基本についてもご紹介します。

こんな方におすすめ

・複数人で使う解析環境づくりに、時間を取られている方
・解析用ワークステーションの購入・導入を検討している方
・Dockerに興味はあるが、まだ使ったことがない方
・ユーザーによって解析環境がバラバラで、結果の再現に悩んでいる方

講師紹介

山口 昌雄　　アメリエフ株式会社 代表取締役CEO

略歴
2000　理化学研究所 遺伝子多型研究センター
2004　京都大学 博士後期課程入学
2004-6　パリ第6大学 留学
2007　京都大学 博士後期課程修了
2009　アメリエフ株式会社設立
京都大学 学外非常勤講師（現任）
東京科学大学 客員教授（現任）



主催： アメリエフ株式会社